

Supplemental Table 4. List of 59 highly up- or down regulated proteins

Entry Name ^a	High Salt				mRIPA				SDS			
	Ratio(L/H) ^b	StDev ^c	RSD(%) ^d	Pep# ^e	Ratio(L/H) ^b	StDev ^c	RSD(%) ^d	Pep# ^e	Ratio(L/H) ^b	StDev ^c	RSD(%) ^d	Pep# ^e
GP:AB011126_1	2.54	0.14	5.5	3								
GP:AB088099_1	0.82	0.27	32.9	4	0.44	0.06	13.6	5	0.87	0.23	26.4	14
GP:AJ564104_1	3.70	0.05	1.4	3	1.69	0.23	13.6	2	3.50	0.2	5.7	5
GP:AK022932_1	1.22	0.12	9.8	4	0.50	0.15	30.0	6				
GP:AK093060_1					6.45	0	0.0	2				
GP:Y19208_1									4.35	0.11	2.5	6
GPN:AK003493_1	0.76	0.02	2.6	2	0.69	0.2	29.0	4	3.13	0.09	2.9	2
GPN:BC000591_1					1.13	0.27	23.9	4	2.13	0.21	9.9	6
GPN:BC008212_1					2.04	0.11	5.4	2				
GPN:BC014046_1	2.65	0.19	7.2	6					1.36	0.27	19.9	79
GPN:BC058020_1					0.44	0.19	43.2	2	1.21	0.03	2.5	3
PIR2:JC4525	0.35	0.14	40.0	2					1.13	0.21	18.6	6
PIR2:S49326	2.02	0.06	3.0	2								
SW:A2B1_HUMAN	2.06	0.22	10.7	2								
SW:ACTB_HUMAN	1.26	0.14	11.1	14	1.20	0.16	13.3	7	2.45	0.08	3.3	8
SW:CIRP_HUMAN	1.35	0.18	13.3	2	0.93	0.18	19.4	3	2.47	0.26	10.5	4
SW:CN01_HUMAN	0.34	0.00	0.0	2	1.07	0.26	24.3	3				
SW:CSE1_HUMAN					2.00	0.09	4.5	4				
SW:DBPA_HUMAN					1.64	0.06	3.7	2	2.78	0.11	4.0	2
SW:DD10_HUMAN									2.15	0	0.0	2
SW:DJC8_HUMAN	0.99	0.01	1.0	3	0.46	0.15	32.6	2				
SW:DRI1_HUMAN	0.47	0.08	17.0	2								
SW:EF11_HUMAN	0.96	0.31	32.3	212	1.26	0.16	12.7	8	2.35	0.1	4.3	4
SW:EF2_HUMAN	2.00	0.05	2.5	2	1.08	0.52	48.1	3	1.67	0.03	1.8	2
SW:ENOA_HUMAN	2.13	0.05	2.3	3								
SW:FKB7_HUMAN					2.08	0.18	8.7	2				
SW:GDIS_HUMAN	1.71	0.19	11.1	4					2.35	0.12	5.1	2
SW:GR75_HUMAN	1.21	0.35	28.9	4	1.26	0.3	23.8	44	2.32	0.31	13.4	6
SW:H4_HUMAN	3.07	0.11	3.6	9	0.85	0.27	31.8	36	0.79	0.3	38.0	150
SW:HBA_HUMAN					4.12	0.1	2.4	4	2.78	0.2	7.2	3
SW:HS9B_HUMAN					1.61	0.15	9.3	7	2.40	0.08	3.3	3
SW:K1M5_HUMAN									4.17	0.02	0.5	2
SW:MACF_HUMAN					2.15	0.33	15.3	2				
SW:MAN1_HUMAN					0.39	0.85	217.9	6				
SW:MLEN_HUMAN	2.14	0.54	25.2	10	1.37	0	0.0	2	1.60	0.08	5.0	3
SW:MLRM_HUMAN	2.13	0.11	5.2	2	1.52	0.01	0.7	2	1.24	0.28	22.6	2
SW:MTA1_HUMAN	0.47	0.03	6.4	2	0.85	0.33	38.8	21	1.37	0.08	5.8	2
SW:MYH9_HUMAN	2.06	0.38	18.4	41	1.16	0.28	24.1	47	0.25	0.09	36.0	2
SW:MYHA_HUMAN	3.86	0.10	2.6	9	1.54	0.06	3.9	2				
SW:NLTP_HUMAN	1.06	0.01	0.9	2	2.22	0.06	2.7	4				
SW:NOG1_HUMAN									2.33	0.07	3.0	7
SW:NOL1_HUMAN	0.48	0.11	22.9	5					1.67	0.25	15.0	12
SW:NP14_HUMAN	2.13	0.12	5.6	2					0.68	0.06	8.8	4
SW:NU43_HUMAN	3.64	0.00	0.0	2	0.97	0.17	17.5	5				
SW:PAB1_HUMAN	1.91	0.29	15.2	3	2.29	0.08	3.5	4				
SW:PLSL_HUMAN	2.34	0.15	6.4	5	1.98	0.1	5.1	5				
SW:PMG1_HUMAN	2.33	0.07	3.0	2	0.79	0.22	27.8	3				
SW:PPIE_HUMAN	1.15	0.09	7.8	2	0.21	0.05	23.8	3				
SW:R10A_HUMAN	0.88	0.19	21.6	4					2.11	0.05	2.4	3
SW:RFC1_HUMAN	0.71	0.22	31.0	2	0.43	0.2	46.5	2				
SW:RL11_HUMAN	0.85	0.42	49.4	3					2.00	0.03	1.5	2
SW:SFR4_HUMAN					0.40	0.09	22.5	2	1.44	0.11	7.6	11
SW:SYT_HUMAN	1.10	0.27	24.5	4	2.33	0.03	1.3	2				
SW:TDBP_HUMAN	3.17	0.05	1.6	2	0.54	0.06	11.1	2				
SW:UCRY_HUMAN					2.15	0.21	9.8	2				
SW:WNT3_HUMAN					2.45	0.92	37.6	3				
SW:Z148_HUMAN					0.38	0.04	10.5	2				
SWN:A32E_HUMAN	2.22	0.17	7.7	2								
SWN:MED8_HUMAN	2.70	0.94	34.8	4	4.44	0.12	2.7	2	3.50	0.06	1.7	11

^a Entry name in NCBI, SWISS-Prot, or PIR databases

^b Ratio (L/H): Light peptide / Heavy peptide

^c StDev: Standard Deviation

^d RSD: Relative Standard Deviation = StDev/Ratio*100

^e Pep#: Peptide Numbers used for quantification